

PŘEHLEDY A ODBORNÁ SDĚLENÍ

Signálne dráhy bunkovej proliferácie a smrti ako ciele potenciálnych chemoterapeutík

REPICKÝ A.¹, JANTOVÁ S.¹, MILATA V.²

¹Slovenská technická univerzita v Bratislave, Fakulta chemickej a potravinárskej technológie, Ústav biochémie, výživy a ochrany zdravia

²Slovenská technická univerzita Bratislava, Fakulta chemickej a potravinárskej technológie, Ústav organickej chémie, katalýzy a petrochémie

Došlo: 29. října 2007 / Prijato: 31. prosince 2007

SÚHRN

Signálne dráhy bunkovej proliferácie a smrti ako ciele potenciálnych chemoterapeutík

Cieľom práce je poskytnúť stručný prehľad najnovších poznatkov týkajúcich sa signálnej transdukcie, ktoré sú využiteľné pre štúdium špecificky pôsobiacich protinádorových látok so zameraním na bunkovú proliferáciu a bunkovú smrť. Onkologické ochorenia patria v súčasnosti medzi najzávažnejšie ochorenia. Výskum mechanizmu účinku liečiv, chemoterapeutík, napomáha hľadať látky s vysokou cytotoxickou aktivitou, ktoré by zároveň v čo najmenšej miere ovplyvňovali normálne zdravé bunky. Mnohé súčasné práce sa zaoberajú schopnosťou látok špecificky zasahovať do signálnych dráh proliferácie alebo bunkovej smrti. V súvislosti s proliferáciou sa identifikovali viaceré signálne dráhy, napr. signálne dráhy mitogénom aktivovaných proteínkináz. Bunková smrť sa podľa pôvodných štúdií rozdeľovala na nekrotickú a apoptotickú formu smrti, pričom apoptóza, na rozdiel od nekrózy, predstavuje programovaný proces. Okrem apoptózy sa však identifikovali aj iné alternatívne formy programovanej smrti, a to programovaná nekróza a autofagická bunková smrť. Takisto aj v rámci apoptózy sa okrem mitochondriálnej a receptorovej signálnej dráhy objavili dôkazy o ďalších mechanizmoch. Patria sem vápniková signálna dráha súvisiaca s endoplazmovým retikulom, lyzozomálna a ceramidová signálna dráha. Doterajšie poznatky týkajúce sa prenosu anti-proliferatívnych a smrtiacich signálov v bunke pomáhajú vysvetliť pôsobenie liečiv a takisto tiež prinášajú nové terapeutické ciele, ktoré môžu slúžiť pre liečbu takých ochorení ako je napr. malígna.

Kľúčové slová: bunková proliferácia – MAPK – programovaná bunková smrť – signálne dráhy apoptózy

Čes. slov. Farm., 2008; 57, 4–10

SUMMARY

Signal pathways of cell proliferation and death as targets of potential chemotherapeutics

The purpose of this paper is to review current information concerning signal transduction pathways of cell proliferation and cell death applicable in the research of antitumor compounds with a specific effect. Actually, cancer counts among the world gravest diseases. Research of the mechanisms of action of chemotherapeutics helps us to find compounds with high cytotoxic activity to tumor cells and low or no cytotoxicity to normal cells. Many present studies deal with the ability of drugs to hit the proliferation signal pathways or cell death pathways specifically. Various proliferation signal pathways have been identified, e.g. pathways of mitogen-activated protein kinases. In original

Adresa pro korespondenci:

Ing. Andrej Repický
Ústav biochémie, výživy a ochrany zdravia FCHPT STU
Radlinského 9, 812 37 Bratislava, Slovenská republika
e-mail: andrej.repicky@stuba.sk

studies, cell death was considered to perform in necrotic and apoptotic forms, whereas in contrast to necrosis, apoptosis represented the programmed process. However, other forms of programmed cell death were discovered, the programmed necrosis and autophagic cell death. Similarly, beside the intrinsic, mitochondrial-mediated, and extrinsic, receptor-mediated pathways, new mechanisms of induction of apoptosis were discovered: the endoplasmic reticulum stress pathway in which calcium plays an important role, the lysosomal pathway and the ceramide-induced pathway. Current information concerning transduction of antiproliferative and death stimuli in cells allows to explain the mechanisms of action of known drugs and also brings novel therapeutical targets which can serve in treatment of such diseases as cancer.

Key words: cell proliferation – MAPK – programmed cell death – apoptotic pathways

Čes. slov. Farm., 2008; 57, 4–10

Má

Nádorové ochorenia predstavujú v súčasnosti jedno z najzávažnejších rizík ohrozujúcich život človeka. Onkologickému výskumu sa preto celosvetovo venuje zvýšená pozornosť.

V liečbe nádorových ochorení majú svoje nezastupiteľné postavenie látky s protinádorovou aktivitou, chemoterapeutiká. Výraznou komplikáciou takejto liečby je však vznik a rozvoj rezistencie na súčasné liečivá. Rezišencia tak predstavuje jeden z hlavných impulzov v objavovaní nových prírodných alebo syntetických protinádorových látok.

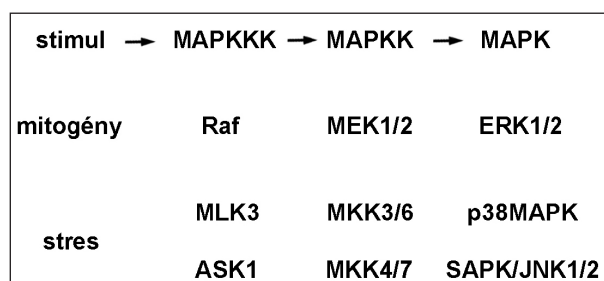
Výskum mechanizmu účinku liečiv napomáha hľadať látky s vysokou cytotoxickou aktivitou, ktoré by zároveň v čo najmenšej miere ovplyvňovali normálne zdravé bunky. Mnohé súčasné práce sa zaoberajú schopnosťou látok špecificky zasahovať do signálnych dráh proliferácie alebo bunkovej smrti, hlavne apoptózy ¹⁾.

Bunková proliferácia – signálne dráhy bunkovej proliferácie

Zmeny v signálnych dráhach bunkovej proliferácie vedú často k závažným ochoreniam, ako je napr. malígna. Pri zlúčeninách s antiproliferačnými účinkami sa v poslednej dobe charakterizuje ich schopnosť zasahovať do signálnych dráh bunkového rastu, diferenciácie a smrti bunky.

Stimulácia rastovým faktorom aktivuje v bunke tri základné typy signálnej transdukcie. Patrí sem mitogénom aktivovaný proteínkinázový (MAPK) mechanizmus, mechanizmus spojený s proteínkinázou-C (PKC) a mechanizmus aktivácie Janusovej tyrozínkinázy a signálneho transduktora a aktivátora transkripcie JAK/STAT ²⁾.

MAPK (obr. 1) predstavuje rodinu eukaryotických evolučne konzervovaných Ser/Thr proteínových kináz, ktoré sú zapojené tak v bunkovej proliferácii ako aj v diferenciácii a smrti bunky. Do tejto rodiny patria MAPK/ERK, p38MAPK a SAPK/JNK. Signálna kaskáda MAPK/ERK je aktivovaná cez tyrozínkinázové receptory, integríny a iónové kanály. Aktívny dimér ERK reguluje viaceré transkripčné faktory regulujúce génovú expresiu proteínov zodpovedných za bunkovú proliferáciu, diferenciáciu, metastázovanie a angiogénezu ³⁾. p38MAPK(α , β , γ a δ) sú aktivované ionizačným žiarením, teplom, oxidačným



Obr. 1. Signálna dráha mitogénom aktivovaných proteínkináz

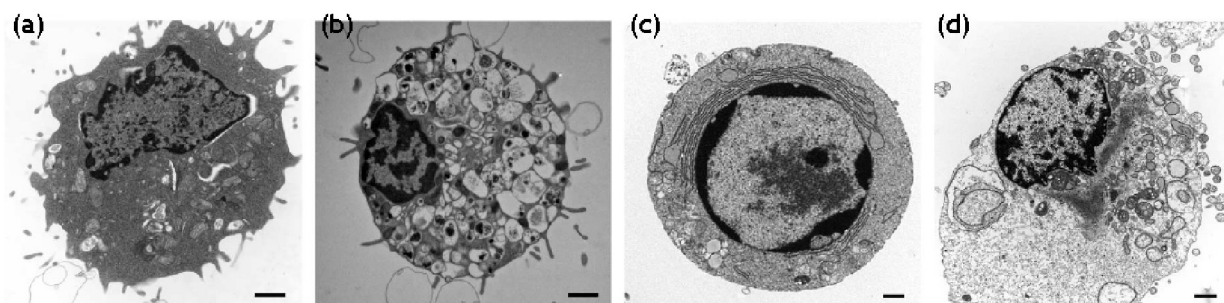
a osmotickým stresom, zápalovými cytokínmi a receptor-mi TNF. Aktívne formy p38MAPK fosforylujú viaceré jadrové transkripčné faktory produkcie cytokínov a nepriamo aktivujú šaperónové proteíny Hsp27, ktoré súvisia s prestavbou aktívneho cytoskeletu pri bunkovom strese ⁴⁾. Signálna dráha stresom aktivovanej proteínkinázy a c-Jun N-terminálnej kinázy, SAPK/JNK, je aktivovaná UV a γ -žiarením, ceramidom, zápalovými cytokínmi a rastovými faktormi. SAPK/JNK je zodpovedná za aktiváciu transkripčných faktorov proliferácie a diferenciácie ako aj proapoptického p53 ⁵⁾.

Ser/Thr kinázy **PKC** sú zahrnuté v bunkovej proliferácii a diferenciácii, ako aj v bunkovej transformácii a karcinogéneze. Hlavným regulátorom PKC je fosfolipid diacylglycerol, ktorý viaže PKC na cytoplazmovú membránu. Aktívna PKC potom fosforyluje ďalšie kinázy vrátane rodiny MAPK ⁶⁾.

JAK/STAT sa aktivuje interakciou špecifických cytokínov s príslušnými receptormi. Väzba cytokínu na receptor spôsobuje jeho dimerizáciu a naviazanie JAK. Vysoká koncentrácia JAK na receptore spôsobuje krížové fosforylácie, pri ktorých sa fosforyluje samotný receptor, ktorý v takejto forme aktivuje STAT. STAT potom aktivuje viaceré kinázy a po translokácii do jadra priamo moduluje transkripciu ⁷⁾. Porušenie JAK/STAT signalizácie súvisí s rozvojom takých ochorení, ako sú autoimunitné ochorenia a malígna.

Bunková smrť

Normálna bunka prekonáva za fyziologických podmienok určité zmeny, pričom zostáva v dynamickej rov-



Obr. 2. Morfológické znaky normálnej (a), autofagickej (b), apoptotickej (c) a nekrotickej bunky (d)

nováhe, ktorá sa označuje ako normálna homeostáza. V prípade veľkej záťaže alebo nedostatočnej adaptácie dochádza k poškodeniu bunky, a to vratnému alebo nevratnému, ktoré vedie k bunkovej smrti ⁸⁾.

Klasická štúdia Kerr et al. ⁹⁾ ukázala, že bunka môže zomierať minimálne dvoma spôsobmi. Prvým je **nekróza**, náhla a rýchla forma smrti. Značne odlišný spôsob bunkovej smrti predstavuje **apoptóza**. Prvé charakteristiky považovali nekrózu za náhodné, nekontrolované poškodenie, kým apoptóza prezentovala charakteristiky programovanej smrti. Mnoho výskumných skupín začalo považovať apoptózu a programovanú bunkovú smrť za jedno, a to isté, napriek odôvodnenej kritike priekopníkov v tejto oblasti. Sú však dôkazy, že existujú alternatívne formy bunkovej smrti, ako aj dôkazy o prelínaní vnútrobunkových procesov degenerácie bunky. Alternatívne **neapoptotické formy programovanej smrti** sa klasifikovali ako autofagická bunková smrť a programovaná nekróza (obr. 2).

Dôkazy o existencii ďalších neapoptotických foriem programovanej smrti tak podporujú úsilie viacerých odborníkov odlišovať pojmy apoptóza a programovaná bunková smrť. Akceptácia minimalistickej definície programovanej smrti ako sekvencie udalostí vychádzajúcich z bunkového metabolizmu, ktoré vedú k bunkovej deštrukcii tak prisudzuje zodpovedajúcu váhu alternatívnym formám programovanej bunkovej smrti, aj napriek výraznej dominancii apoptózy v literatúre.

Nekróza

Nekróza je patologický proces, ku ktorému dochádza v rôznych tkanivách v dôsledku závažnej hypoxie, ischémie alebo pri autolýze. Taktiež môže byť následkom poškodenia cytoplazmovej membrány komplementom, traumy, pôsobenia niektorých toxínov, alebo veľkej dávky žiarenia ¹⁰⁾. Nekrózu spôsobujú inhibítory metabolizmu, reaktívne metabolity kyslíka, rôzne toxické látky a inhibítory iónových púmp. Nekrotické bunky sú charakteristické viacerými morfológickými prejavmi. Tie sa spočiatku prejavujú na mitochondriách, ktoré sa zväčšujú, pričom vzniká zrnitý matrix a na endoplazmovom retikule, ktoré sa rozťahuje, pričom sa uvoľňujú ribozómy. Postupne sa pozoruje zväčšovanie objemu bunky, zhlukovanie a postupné miznutie až strata chromatinu. V poslednej fáze dochádza k rozpadu bunky a uvoľneniu jej obsahu do okolitého prostredia, čo v organizme vyvoláva zápalovú reakciu. Počas nekrózy sa sledujú aj via-

ceré biochemické prejavy. V prvých štádiách dochádza k zlyhaniu regulácie membránového transportu, čo má za následok zvýšenie koncentrácie vnútrobunkového Ca^{2+} , a z toho vyplývajúcu aktiváciu niektorých membránových fosfolipáz. Dochádza k nepravidelnej fragmentácii DNA, deplécii ATP a celkovému zrúteniu vnútrobunkovej homeostázy. V poslednom štádiu sa rozpadajú lysozomy, pričom sa uvoľňujú hydrolázy zodpovedné za rozpad bunky.

Programovaná nekróza

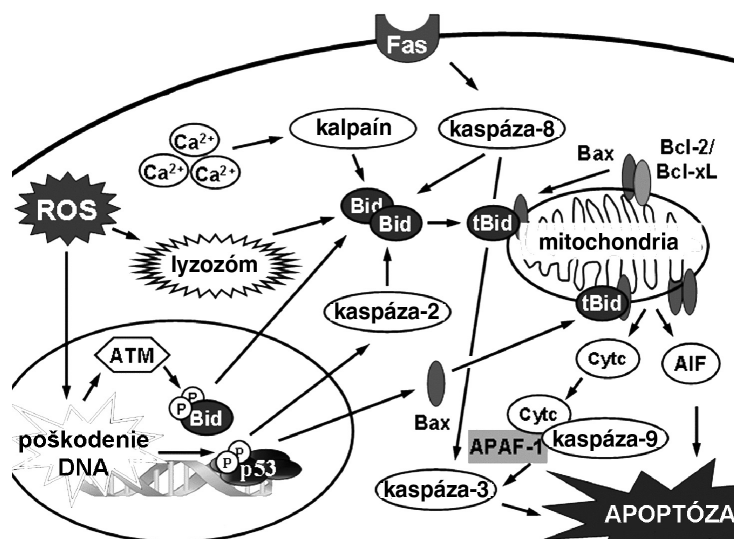
Programovaná nekróza sa vo fyziologických podmienkach pozorovala prvýkrát v cicavčích bunkách infikovaných vírusom vakcínie, kedy priebeh bunkovej smrti bol podobný nekróze, pričom však niesol známky programovanej smrti. Nešlo však o apoptózu, pretože tá bola v dôsledku expresie vírusovej genetickej informácie blokovávaná vysokou koncentráciou apoptotických inhibítorov. Takáto forma smrti môže byť teda rezervným procesom v prípade zlyhania apoptózy v cicavčích bunkách a môže hrať dôležitú úlohu v boji s mikrobiálnou infekciou ¹¹⁾.

Programovaná nekróza môže byť významná aj pri ochrane organizmu pred akumuláciou buniek s poškodenou DNA. ¹²⁾ Poškodenie DNA aktivuje opravný proteín PARP, čo vedie k rapídne poklesu jadrového aj cytoplazmového NADH, čím sa inhibuje glykolýza. Výsledkom je, že v rýchlo sa deliacich bunkách, ktoré sú závislé od glykolýzy, sa po aktivácii PARP veľmi rýchlo vyčerpá ATP a bunky zomierajú nekrózu.

Programovaná smrť by mohla vysvetľovať účinok niektorých chemoterapeutík, keď bunky zomierali nezávisle od kaspáz ¹³⁾. Takáto programovaná smrť by teda mohla priniesť nové terapeutické ciele pri liečbe ochorení, pri ktorých je apoptóza blokovávaná.

Apoptóza

Apoptóza je programovaný a regulovaný fyziologický proces, ktorý vedie k bunkovej smrti. V organizme sa vyskytuje prirodzene počas embryonálneho alebo postembryonálneho vývoja, pri odstraňovaní buniek T-bunkami imunitného systému a homeostáze tkanív. Narušenie rovnováhy medzi proliferáciou a apoptózou vedie k mnohým patologickým procesom, ako sú neurodegeneratívne ochorenia, AIDS alebo malígna ¹⁴⁾.



Obr. 3. Mechanizmy indukcie apoptózy v bunke ¹⁷⁾

Apoptóza ako súčasť normálneho života eukaryotických organizmov bola pozorovaná už pred viac ako storočím ¹⁵⁾. Viditeľné morfológické zmeny buniek a ich miznutie bolo vtedy často jediným dôkazom o prítomnosti bunkovej smrti. Až práca Kerr et al. z roku 1972 ⁹⁾ objasnila a definovala charakteristické znaky apoptózy, ktoré dodnes tvoria základ pre detekciu apoptózy.

Väčšina buniek zomierajúcich v procese apoptózy vykazuje viaceré podobné znaky, pričom niektoré možno pozorovať pomocou svetelného mikroskopu s použitím špecifických farbív, alebo pomocou elektrónového mikroskopu ¹⁶⁾. Pomocou svetelného mikroskopu sa pozoruje oddeľovanie bunky od okolia a jej zaokrúhľovanie. Bunka znižuje objem cytoplazmy, pričom osmotický tlak v bunke zostáva zachovaný. Dochádza k tvorbe rôznych vychlípenín cytoplazmovej membrány, zmenšovaniu jadra a zhlukovaniu chromatinu. V poslednom štádiu sa bunka dezintegruje do membránou ohraničených apoptotických teliesok. Pomocou elektrónového mikroskopu možno detegovať dilatáciu endoplazmového retikula a agregáciu ribozómov, reorganizáciu aktínu, rozpad jadrovej lamíny, rozpad intermediárnych filamentov, rozpad a repolymerizáciu mikrotubúl a vznik cytoskeletárnej štruktúry podporujúcej vznik apoptotických teliesok.

Biochemické prejavy apoptózy závisia od typu mechanizmu, ktorým sa apoptóza iniciovala (obr. 3). Mechanizmy indukcie apoptózy predstavujú kaskádu udalostí, ktoré vedú od počiatčného stimulu až k bunkovej smrti. Vo všeobecnosti sa delia na dva druhy ¹⁷⁾. Vnútoraná, alebo mitochondriálna signálna dráha, reaguje na stimuly vo vnútri bunky, zatiaľ čo vonkajšia, alebo receptorová signálna dráha reaguje na extracelulárne stimuly cez receptory. Hoci sú v týchto dráhach zapojené rozdielne molekuly, existuje tu vzájomná komunikácia na viacerých úrovniach. Posledné štúdie hovoria aj o ďalších signálnych dráhach. Vápniková signálna dráha súvisí so zmenami endoplazmového retikula v stresových podmienkach ¹⁸⁾. Lyzozomálna dráha vychádza zase zo zmien v permeabilite membrány lyzozómov ¹⁹⁾. Niektoré

práce uvádzajú tiež indukciu apoptózy zvýšením vnútro-bunkovej koncentrácie ceramidu ²⁰⁾.

Mitochondrie plnia v eukaryotickej bunke viaceré esenciálne biochemické procesy ²¹⁾. Správne fungovanie katalytických dejov zabezpečujú dve membrány oddelené medzimembránovým priestorom. Porušenie týchto membrán tak ohrozuje ďalšie prežitie bunky jednak zastavením esenciálnych procesov, ako aj uvoľňovaním molekúl, ktoré participujú na deštrukcii bunky. Mitochondrie teda hrajú dôležitú úlohu v iniciácii bunkovej smrti v procese apoptózy. Mitochondriálna signálna dráha je charakteristická hlavne aktiváciou proapoptotických proteínov z rodiny Bcl-2 proteínov (Bax, Bak), permeabilizáciou mitochondriálnej membrány a poklesom mitochondriálneho potenciálu, uvoľňovaním proapoptotických faktorov (cytochróm-c, AIF, Smac/Diablo, HtrA2/Omi), tvorbou komplexu Apaf-1 a následnou aktiváciou iniciačnej kaspázy-9. Aktivovaná kaspáza-9 ďalej aktivuje kaskádu efektorových kaspáz-3/-6/-7.

Vonkajšia signálna dráha apoptózy je aktivovaná ligáciou receptorov smrti (DR) lokalizovaných na cytoplazmovej membráne špecifickými ligandami. Doteraz bolo identifikovaných šesť DR: TNF-R, CD95, DR3, TRAIL-R1, TRAIL-R2 a DR6 ²²⁾. Všetky tieto receptory sú transmembránové proteíny typu I s opakujúcimi sa extracelulárnymi jednotkami bohatými na cysteín. V intracelulárnej časti obsahujú interakčnú smrťiacu doménu (DD), ktorá zabezpečuje indukciu apoptózy ²³⁾. **Receptorová signálna dráha** apoptózy začína ligáciou receptorov smrti (FAS, TNFR, TRAIL) za vzniku signálneho komplexu indukujúceho smrť (DISC). Cez adaptový proteín FADD (príp. aj TRADD) sa prenáša apoptotický signál a aktivuje sa iniciačná kaspáza-8/-10. Podľa množstva aktivovanej kaspázy-8 sa apoptóza indukuje dvoma cestami. Ak je DISC v bunkách vytvorený slabšie, aktivuje sa len malé množstvo kaspázy-8 a apoptóza je závislá od rozkladu Bid kaspázou-8 na proapoptotický tBid, ktorý permeabilizuje mitochondriálnu membránu. Vysoký stupeň aktivácie na DISC naopak

zabezpečuje dostatočnú koncentráciu aktívnej kaspázy-8, ktorá je potom schopná aktivovať kaspázu-3 priamo, bez prepojenia na mitochondriu cez tBid²⁴⁾.

Aktivácia efektorových kaspáz-3/-6/-7 vedie v konečnom dôsledku k fragmentácii DNA, pričom vznikajú intranukleozomálne dvojvláknové zlomy. Veľkosť fragmentov DNA začína pri 50–300 kbp, ktoré môžu byť ďalej štiepené až na 10–40 kbp fragmenty²⁵⁾.

Okrem indukcie apoptózy v receptorovej signálnej dráhe cez aktiváciu kaspázy-8/-10, má nezastupiteľnú úlohu spustenie JNK signalizácie²⁶⁾. Na adaptorových proteínoch FADD a TRADD sa aktivuje signálna kináza-1 pre apoptózu (ASK1), ktorá spúšťa fosforylačnú kaskádu viacerých MAPK vedúcu k aktivácii JNK. Aktivovaná JNK fosforyluje substráty ako c-Jun, p53 a Bim. JNK tiež štiepi Bid. Na rozdiel od produktu štiepenia Bid pomocou kaspázy-8, vzniká iná skrátaná forma Bid, nazvaná jBid, ktorá spúšťa selektívne uvoľňovanie Smac z mitochondrie. Následne Smac inhibuje IAPs, čím stimuluje apoptózu.

V poslednej dobe objavujú tiež poznatky o samostatnej skupine receptorov nazvanej „**dependence**“ **receptor**²⁷⁾. Tieto proteíny zahŕňujú širokú skupinu štruktúrne značne odlišných proteínov. Ich spoločným znakom je prenos signálov dvoma spôsobmi. V prítomnosti ligandu (pozitívny signál) zabezpečujú prežitie, diferenciáciu, prípadne migráciu buniek, kým v neprítomnosti ligandu (negatívny signál) iniciujú, alebo znásobujú stimuly vedúce k programovanej smrti buniek.

Pre prežitie bunky je kritické udržiavanie vápnikovej homeostázy. Jej narušenie vedie k poškodeniu a smrti bunky¹⁷⁾. V súvislosti s vápnikovou signalizáciou hrá dôležitú úlohu **endoplazmové retikulum** (ER). Uvoľnenie Ca^{2+} z ER hrá kritickú úlohu v signálnej dráhe vedúcej k apoptóze. Ca^{2+} sa uvoľňuje cez ATPázy, ktoré za normálnych podmienok pumpujú Ca^{2+} do ER. Na ich aktivitu vplývajú molekuly inozitol-3-fosfátu (IP3) a cytoplazmová ADP-ribóza²⁸⁾. Uvoľnenie Ca^{2+} spúšťa viaceré procesy smerujúce k bunkovej smrti, vrátane permeabilizácie mitochondriálnej membrány, aktivácie kalpainu, a tým proapoptotických Bax a Bid, aktivácie calcineurínu, ktorý podporuje expresiu FasL, aktivácie skrambláz, čím dochádza k expozícii fosfatidylserínu do vonkajšej cytoplazmovej membrány a stimulácie NO-syntázy a tvorby ROS.

Okrem uvoľňovania Ca^{2+} , hlavného mediátora apoptózy pri ER strese, existujú aj ďalšie mechanizmy. V bunkách hlodavcov sa nachádza kaspáza-12, ktorá sa zdá byť zapojená v procese indukcie apoptózy.²⁹⁾ Takýto význam kaspázy-12 je však otázný, keďže v ľudských bunkách sa nenachádza. Najbližší analóg kaspázy-12 v ľudských bunkách je kaspáza-4. Transmembránový proteín v ER Bap31 je schopný asociácie s prokaspázou-8³⁰⁾. Iný proteín Ire1 aktivuje kinázu ASK1, ktorá následne aktivuje JNK a p38MAPK³¹⁾. Tyrozínkináza c-Abl sa počas ER stresu translokuje na mitochondriu a spúšťa apoptózu zatiaľ neznámym mechanizmom³²⁾. Ďalším induktorom apoptózy pri ER strese je skotín, ktorý je priamym terčom p53, čo naznačuje prepojenie poškodenia DNA s indukciou apoptózy pri zmenách v ER³³⁾. Pri narušení permeability ER sa podobne ako pri

mitochondrii uvoľňujú apoptogénne faktory, o čom svedčí objav proteínu Jafrac2. Ten je za normálnych podmienok súčasťou obsahu ER, ale pri ER strese sa dostáva do cytoplazmy, kde sa viaže s IAPs a znemožňuje ich inhibičnú aktivitu voči kaspázam³⁴⁾.

V poslednej dobe sa hromadia dôkazy o význame lyzozómov v procese programovanej smrti³⁵⁾. Doteraz sa predpokladalo, že **lyzozómy** sa do smrti bunky zapájajú iba v neskorých štádiách nekrózy. Najnovšie sa zistila čiastočná permeabilizácia lyzozomálnej membrány, ktorá síce zachováva normálnu štruktúru lyzozómu, ale umožňuje únik lyzozomálnych katepsínov do cytoplazmy³⁶⁾. Tieto lyzozomálne hydrolázy môžu zvyšovať permeabilitu mitochondriálnej membrány, aktiváciu proapoptotických Bcl-2 proteínov ako aj kondenzáciu chromatinu, expozíciu fosfatidylserínu a tvorba membránových vychlípenín nezávisle od aktivácie kaspáz. Permeabilizáciu lyzozomálnej membrány iniciujú viaceré faktory vrátane kaspázovej signalizácie, receptorovej signalizácie a oxidačného stresu³⁷⁾.

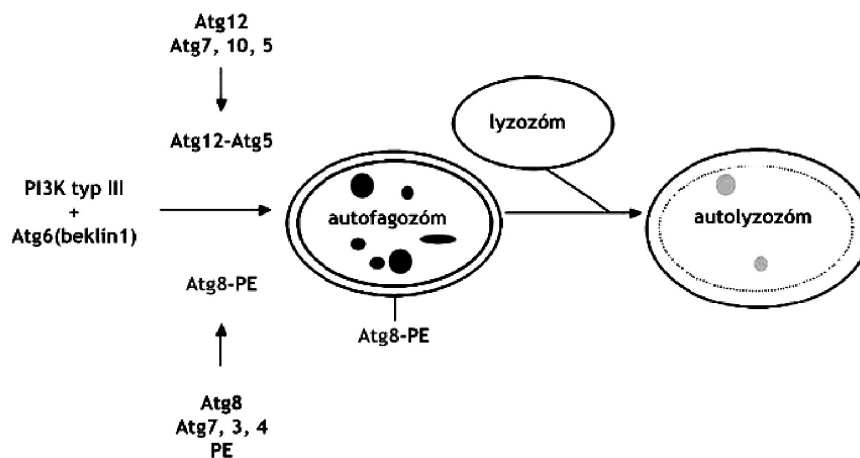
Hlavným ochranným faktorom permeabilizácie lyzozómov je šaperónový proteín Hsp70, ktorý chráni bunku pred tepelným a oxidačným stresom, protinádorovými liečivami, FasL a TNF³⁸⁾. Práve nádorové bunky obsahujú v membránach Hsp70 v nadmernom množstve.

Ceramid je lipid zložený zo sfingozínu a mastnej kyseliny a ako zložka sfingomyelínu sa nachádza vo vysokých koncentráciách v cytoplazmovej membráne buniek. Uvoľnený ceramid funguje ako signálna molekula, čo naznačuje jeho význam v regulácii bunkových procesov, ako je delenie, diferenciácia a smrť bunky³⁹⁾. Ceramid môže v bunke interagovať s mnohými enzýmami, čím ovplyvňuje rozličné signálne dráhy vrátane apoptotických⁴⁰⁾. Viaceré štúdie potvrdili, že ceramid môže podporovať uvoľnenie cytochrómu-c z mitochondrie do cytoplazmy, aktivovať signálnu dráhu SAPK/JNK, zasahovať do regulácie TNF a Fas receptorov, a tým zvyšovať účinok FasL a TNF dependentných procesov. Ceramid aktivuje niektoré tyrozínkinázy, ktoré aktivujú proapoptotickú formu PKC⁴¹⁾.

Autofágia

Autofágia hrá úlohu pri prežívaní organizmu v čase hladovania, alebo pri obnove poškodených organel⁴²⁾. Veľké počty buniek v pokročilom štádiu autofágie sa však pozorovali aj pri neurodegeneratívnych ochoreniach, ako je Alzheimerova a Parkinsonova choroba. To viedlo k myšlienke, že autofágia má okrem adaptatívnej úlohy aj význam v bunkovej smrti.

Autofágia sa prejavuje viacerými morfológickými zmenami, ako sú vznik autofágických vezikúl, tmavnutia cytoplazmy a nukleoplazmy, dilatácia endoplazmového retikula, Golgghiho aparátu a zväčšovanie mitochondrii, strata mikrovíl a medzibunkových spojov. Takisto sa pozorujú membránové vychlípeniny podobné apoptotickým, intenzívna endocytóza, a tým redukcia povrchu membrány, zvyšovanie počtu vakuol, vznik cytoplazmových inklúzií a piknotického jadra. V posledných štádiách je bunkový zvyšok odstránený heterofágiou, i keď nie v takej zreteľnej forme, ako je odstraňovanie apoptotických teliesok⁴³⁾.



Obr. 4. Regulácia vzniku autolyzozómu. PI3 kináza typu 3 vyžaduje Atg6 a jeden z dvoch systémov: Atg12 resp. Atg8⁴⁴⁾ PE – fosfatidyletanolamín

Najnovšie štúdie hovoria aj o funkcii autofágie v programovanej smrti buniek⁴⁴⁾. Autofágia začína vznikom autofagických vakuol (**autofagozomy**), ktoré pohlcujú cieľovú organelu, spájajú sa s lyzozómom, čím vzniká autolyzozóm. Vznik autofagozómu je regulovaný fosfatidyl-inozitol-3-kinázami (PI3) typu I a III a autofagickými Ser/Thr kinázami (Atg1-16). PI3-I je aktivovaná rastovými faktormi a inhibuje autofágiu zatiaľ neznámym mechanizmom. PI3-III, ktorá vo svojom komplexe obsahuje beklín-1 (Atg6), stimuluje vznik autofagických molekúl. Mechanizmus ďalších autofagických procesov je regulovaný dvoma systémami podobnými ubiquitínu. Prvým je dráha cez Atg12 a druhým spôsobom je dráha cez Atg8 (obr. 4). Atg12 sa konjuguje s Atg5, zatiaľ čo Atg8 sa konjuguje s fosfatidyletanolamínom (PE). Práve Atg8-PE komplex je markerom pre autofágiu⁴⁵⁾.

Dôležitým regulátorom autofagickej smrti sú Bcl-2 proteíny. Autofágia môže byť alternatívnou programovanou smrťou v bunkách, ktoré majú zvýšené antiapoptotické Bcl-2 a znížené proapoptotické Bax/Bak. Takisto sa autofágia potvrdila v bunkách v prítomnosti kaspázových inhibítorov⁴⁶⁾.

Spôsob, akým sa autofagický proces stimuluje, zostáva otázný. Niektoré práce spájajú autofagickú programovanú smrť s JNK signalizáciou, pretože JNK sa ukázala byť nevyhnutná pre autofagickú smrť, na rozdiel od samotnej autofágie, ktorá od JNK nezávisí. Preto treba odlišovať autofagickú bunkovú smrť od autofágie, ktorej jedinou úlohou je získanie energie. Dôvodom, prečo sa v niektorých bunkách iniciuje autofágia ako programovaná smrť a prečo v iných bunkách dochádza len k aktivácii autofágie pri energetickom strese, sa zdá byť rozdielna hladina niektorých proteínov Atg⁴⁷⁾.

Zoznam použitých skratiek

AIF	faktor indukujúci apoptózu
Apaf-1	aktivačný faktor-1 apoptózej proteázy
Atg	autofagická Ser/Thr kináza

Bap-31	proteín spojený s receptorom B-buniek
Bax	Bcl-2 spojené s proteínom X
Bcl-2	proteíny izolované z leukemických B buniek 2
Bid	doménový smrťaci agonista ovplyvňujúci BH3
Bim	mediátor bunkovej smrti interagujúci s Bcl-2
c-Abl	homológ 1 Abelsonovho myšacieho leukemického vírusového onkogénu
cFLIP	bunkový proteín inhibujúci FLICE
DR3 resp. DR6	receptor smrti 3 resp. 6
ERK	kináza regulovaná extracelulárnym signálom
FADD	proteín spojený s Fas cez smrťacu doménu
FasL resp. Fas	apoptózový antigénový ligand 1 resp. receptor pre FasL (Apo-1, CD95)
FLICE	interleukín 1 β premieňajúci enzým podobajúci sa na FADD
Hsp	proteíny tepelného šoku
Htr2/Omi	proteín A2 vyžadujúci vysokú teplotu/Omiho stresom regulovaná endoproteáza
IAPs	inhibítory proteínov apoptózy
IRE1	kináza 1 vyžadujúca inozitol
Jafrac2	tioredoxínperoxidáza 2
JAK	Janusova tyrozínkináza
JNK	c-Jun N-terminálna proteínkináza
MAPK	mitogénom aktivovaná proteínkináza
p38 MAPK	mitogénom aktivovaná proteínkináza 14
p53	ľudský nádorový antigén lokalizovaný na chromozóme 17
PARP	poly(ADP-ribóza)polymeráza
PKC	proteínkináza-C
ROS	reaktívne kyslíkové druhy
SAPK	proteínkináza aktivovaná stresom

Smac/Diablo	druhý mitochondriální aktivátor kaspáz/proteín s nízkým pI viažuci IAPs
STAT	signální transduktor a aktivátor transkripce
TNF resp. TNFR	tumor nekrotizující faktor resp. receptor pro TNF
TRADD	proteín spojený s TRAIL cez smrtiacu doménu
TRAIL	ligand spojený s TNF indukující apoptózu
Z-VAD-FMK	špecifický inhibitor kaspázy 3
$\Delta\psi_m$	mitochondriální membránový potenciál

Práce bola podporovaná Agentúrou na podporu vedy a techniky na základe Zmluvy č. APVT-20-007304 a Grantovou agentúrou VEGA SR projektom č. 1/4305/07 a 1/2448/05.

LITERATÚRA

1. **Stiborová, M.:** Studium enzymů biotransformujících xenobiotika – nástroj k poznání mechanismu působení karcinogenů a konstrukce kancerostatik nové generace. Doktorská dizertační práce. Přírodovědecká fakulta, Univerzita Karlova v Praze, 2003.
2. **Aubert, J., Belmonte, N., Dani, C.:** Cell. Mol. Life Sci., 1999; 56, 538–542.
3. **Pouyssegur, J., Volmat, V., Lenormand, P.:** Biochem. Pharmacol., 2002; 64, 755–763.
4. **Dodeller, F., Schulze-Koops, H.:** Arthritis Res. Ther., 2006; 8, 205.
5. **Nishina, H., Wada, T., Katada, T.:** J. Biochem., 2004; 2, 23–126.
6. **Mackay, H. J., Twelves, C. J.:** Endocr. Relat. Cancer, 2003; 10, 389–396.
7. **Heinrich, P. C., Behrmann, I., Haan S., Hermanns, H. M. et al.:** Biochem. J., 2003; 15, 1–20.
8. **Masopust, J., Bartůňková, J., Goetz, P. et al.:** Patobiochemie buňky. Univerzita Karlova v Praze, 2. lékařská fakulta, 2003.
9. **Kerr, J. F. R., Wyllie, A. H., Currie, A. R.:** Br. J. Cancer, 1972; 26, 239–257.
10. **Chaloupka, J.:** Biologické listy, 1996; 61, 249–252.
11. **Chan, F. K., Shisler, J., Bixby J. G. et al.:** J. Biol. Chem., 2003; 278, 51613–51621.
12. **Zong, W. X., Ditsworth, D., Bauer D. E. et al.:** Genes. Dev., 2004; 18, 1272–1282.
13. **Okada, M., Adachi, S., Imai, T. et al.:** Blood, 2004; 103, 2299–2307.
14. **Green, D.R., Kroemer, G.:** Science, 2004; 305, 626–629.
15. **Clarke, P. G., Clarke S.:** Anat. Embry., 1996; 193, 81–99.
16. **Hacker, G.:** Cell Tissue Res., 2000; 301, 5–17.
17. **Culmsee, C., Plesnila, N.:** Biochem. Soc. Trans., 2006; 34, 1334–1340.
18. **Rao, R. V., Ellerby, H. M., Bredesen, D. E.:** Cell Death. Differ., 2004; 11, 372–380.
19. **Guicciardi, M. E., Leist, M., Gores, G. J.:** Oncogene, 2004; 23, 2881–2890.
20. **Hannun, Y. A., Luberto, C.:** Trends Cell. Biol., 2000; 10, 73–80.
21. **Desagher, S., Martinou, J. C.:** Trends Cell. Biol., 2000; 10, 369–377.
22. **Krueger, A., Fas, S. C., Baumann, S., Krammer, P. H.:** Immunol. Rev., 2003; 193, 58–69.
23. **Dempsey, P. W., Doyle, S. E., He, J. Q., Cheng, G.:** Cytokine Growth Factor Rev., 2003; 14, 193–209.
24. **Scaffidi, C., Fulda, S., Srinivasan, A. et al.:** EMBO J., 1998; 17, 1675–1687.
25. **Walker, P. R., Leblanc, J., Smith, B. et al.:** Methods, 1999; 17, 329–338.
26. **Davis, R. J.:** Cell, 2000; 103, 239–252.
27. **Bredesen, D. E., Mehlen P., Rabizadeh S.:** Physiol. Rev., 2004; 84, 411–430.
28. **Berridge, M. J., Lipp, P., Bootman, M. D.:** Nat. Rev. Mol. Cell Biol., 2000; 1, 11–21.
29. **Nakagawa, T., Yuan, J.:** J. Cell Biol., 2000; 150, 887–894.
30. **Ng, F. W. H., Nguyen, M., Kwan, T. et al.:** J. Cell Biol., 1997; 39, 327–338.
31. **Yamamoto, K., Ichijo, H., Korsmeyer, S. J.:** Mol. Cell Biol., 1999; 19, 8469–8478.
32. **Ito, Y., Pandey, P., Mishra, N. et al.:** Mol. Cell Biol., 2001; 21, 6233–6242.
33. **Bourdon, J. C., Renzing, J., Robertson, P. L. et al.:** J. Cell Biol., 2002; 16, 1479–1489.
34. **Tenev, T., Zachariou, A., Wilson, R. et al.:** EMBO J., 2002; 21, 5118–5129.
35. **Leist, M., Jaattela, M.:** Cell Death Differ., 2001; 8, 324–326.
36. **Jaattela, M.:** Ann. Med., 2002; 34, 480–488.
37. **Werneburg, N., Gucciardi, M. E., Yin, X. M., Gores, G. J.:** Am. J. Physiol. Gastrointest. Liver Physiol., 2004; 287, 436–443.
38. **Multhof, G.:** Int. J. Hypertension, 2002; 18, 576–585.
39. **Van Blitterswijk, W. J., Van Der Luit, A. H., Veldman, R. J. et al.:** Biochem. J., 2003; 369, 199–211.
40. **Selzner, M., Bielawska, A., Morse, M. A. et al.:** Cancer Res., 2001; 61, 1233–1240.
41. **Joseloff, E., Cataisson, C., Aamodt, H. et al.:** J. Biol. Chem., 2002; 277, 12318–12323.
42. **Levine, B., Klionsky, D. J.:** Dev. Cell, 2004; 6, 463–477.
43. **Klionsky, D. J., Emr, S. D.:** Science, 2000; 290, 1717–1721.
44. **Shimizu, S., Kanaseki, T., Mizushima, N. et al.:** Nat. Cell Biol., 2004; 6, 1221–1228.
45. **Tal-Or, P., Di-Segni, A., Lupowitz, Z., Pinkas-Kramarski, R.:** Prostate, 2003; 55, 147–157.
46. **Yu, L., Alva, A., Su, H. et al.:** Science, 2004; 304, 1500–1502.
47. **Gozuak, D., Kimchi, A.:** Oncogene, 2004; 23, 2891–2906.